

```

                *           20           *           40
Human       : MSDG--DYDYLIKFLALGDSGVGKTSVLYQYTDGKFNSEKFFIT : 40
mouse      : MSDG--DYDYLIKFLALGDSGVGKTSVLYQYTDGKFNSEKFFIT : 40
Rat        : MSDG--DYDYLIKFLALGDSGVGKTSVLYQYTDGKFNSEKFFIT : 40
ZebraFish  : MTDG--DYDYLIKLLALGDFGVRKTTFLYRYTDNKFNPKEFIT : 40
Worm       : --MG--DYDYLIKFLALGDSGVGKTSFLHRYTDNTEFTGQFIS : 38
FruitFly   : MTGANIDYDYLLKFLVLGDSGVGKTCLLYQYTDGREFHTQFIS : 42
           m g DYDYL6KfLaLGDSGVgKT Ly YTD F FI3

```

```

                *           60           *           80
Human       : TVGIDFREKRVVYRASGPDGATGRGQRIHLQLWDTAGQERFR : 82
mouse      : TVGIDFREKRVVYRANGPDGAVGRGQRIHLQLWDTAGQERFR : 82
Rat        : TVGIDFREKRVVYRANGPDGTVGRGQRIHLQLWDTAGQERFR : 82
ZebraFish  : TVGIDFREKRVVYTTNSPNGTTGKTFKVHLQLWDTAGQERFR : 82
Worm       : TVGIDFKEKKVVYKSSR-GGFGGRGQVLLQLWDTAGQERFR : 79
FruitFly   : TVGIDFREKRLLYNSRG-----RRHRIHLQIWDTAGQERFR : 78
           TVGIDF4EK466Y g g4 46hLQ6WDTAGQERFR

```

```

                *           100          *           120
Human       : SLTTAFFRDAMGFLLLFDLTNEQSFLNVRNWISQLQMHAYCE : 124
mouse      : SLTTAFFRDAMGFLLLFDLTNEQSFLNVRNWISQLQMHAYCE : 124
Rat        : SLTTAFFRDAMGFLLLFDLTNEQSFLNVRNWISQLQMHAYCE : 124
ZebraFish  : SLTTAFFRDAMGFLLMFDLTSQQSFLNVRNWMSQLQANAYCE : 124
Worm       : SLTTAFFRDAMGFILIFDITNEQSFLNIRDWLSQLKVHAYCE : 121
FruitFly   : SLTTAFYRDAMGFLIFDLTSEKSFLETANWLSQLRTHAYSE : 120
           SLTTAF5RDAMGF6L6FD6T 2qSFLn r1W6SQL hAYcE

```

```

                *           140          *           160
Human       : NPDIVLCGNKSDLEDQRVVKEEEAIALAEKYGIPYFETSAAN : 166
mouse      : NPDIVLCGNKSDLEDQRAVKEEEARELAEKYGIPYFETSAAN : 166
Rat        : NPDIVLCGNKSDLEDQRAVKEEEARELAEKYGIPYFETSAAN : 166
ZebraFish  : NPDIVLVGNKADLADQREVQEKQAKELADKYG----- : 156
Worm       : QPDIIICGNKADLENRRQVSTARAKQLADQLGLPYFETSACT : 163
FruitFly   : DPDVVLCCGNKCDLLQIRVVSRDQVAALCRRYRLPYIETSACT : 162
           PD666cGNK DL R V a La yg py etsa

```

```

                *           180          *           200          *
Human       : GTNISQAIEMLLDLIMKRMEKRCVDKSWIPEGVVRNSNGHASTD : 208
mouse      : GTNISQAIEMLLDLIMKRMEKRCVDKSWIPEGVVRNSNGHTSAD : 208
Rat        : GTNISQAIEMLLDLIMKRMEKRCVDKSWIPEGVVRNSNGHTSTD : 208
ZebraFish  : ----- : -
Worm       : STNVEKSVDCLLDLVMQRIQQSVETSSSLPLSECRG---VSLD : 202
FruitFly   : GANVKEAVELLVGRVMERIENAAACNREFSLLLTQSRCLPNIA : 204
           n l m r

```

		220		*		240		*	
Human	:	QLSEE	-----	KEK	GACG	C	-----	:	221
mouse	:	QLSEE	-----	KEK	GLCG	C	-----	:	221
Rat	:	QLSEE	-----	KEK	GLCG	C	-----	:	221
ZebraFish	:		-----				-----	:	-
Worm	:	GDPSA	-----	ASS	YCAN	C	-----	:	215
FruitFly	:	YGQPE	DLVRLH	DRE	EPCSR	RNCRN	C	-----	: 230

C