

```

                *           20           *           40
mouse       : MSDG--DYDYLIKFLALGDSGVGKTSVLYQYTDGKFNKSFIT : 40
Human      : MSDG--DYDYLIKFLALGDSGVGKTSVLYQYTDGKFNKSFIT : 40
Rat       : MSDG--DYDYLIKFLALGDSGVGKTSVLYQYTDGKFNKSFIT : 40
ZebraFish : MTDG--DYDYLIKLLALGDFGVRKTFFLYRYTDNKFNPKFIT : 40
Worm      : --MG--DYDYLIKFLALGDSGVGKTSFLHRYTDNTEFTGQFIS : 38
FruitFly  : MTGANIDYDYLLKFLVLGDSGVGKTCLLYQYTDGRFHTQFIS : 42
          m g DYDYL6KfLaLGDSGVgKT Ly YTD F FI3

```

```

                *           60           *           80
mouse       : TVGIDFREKRVVYRANGPDGAVGRGQRIHLQLWDTAGQERFR : 82
Human      : TVGIDFREKRVVYRASGPDGATGRGQRIHLQLWDTAGQERFR : 82
Rat       : TVGIDFREKRVVYRANGPDGTVGRGQRIHLQLWDTAGQERFR : 82
ZebraFish : TVGIDFREKRVVYTTNSPNGTTGKTFKVHLQLWDTAGQERFR : 82
Worm      : TVGIDFKEKKVVYKSSR-GGFGGRGQVLLQLWDTAGQERFR : 79
FruitFly  : TVGIDFREKRLLYNSRG-----RRHRIHLQIWDTAGQERFR : 78
          TVGIDF4EK466Y          g g4 46hLQ6WDTAGQERFR

```

```

                *           100          *           120
mouse       : SLTTAFFRDAMGFLLLFDLTNEQSFLNVRNWISQLQMAYCE : 124
Human      : SLTTAFFRDAMGFLLLFDLTNEQSFLNVRNWISQLQMAYCE : 124
Rat       : SLTTAFFRDAMGFLLLFDLTNEQSFLNVRNWISQLQMAYCE : 124
ZebraFish : SLTTAFFRDAMGFLLMFDLTSQQSFLNVRNWMSQLQANAYCE : 124
Worm      : SLTTAFFRDAMGFILIFDITNEQSFLNIRDWLSQLKVHAYCE : 121
FruitFly  : SLTTAFYRDAMGFLIFDLTSEKSFLETANWLSQLRTHAYSE : 120
          SLTTAF5RDAMGF6L6FD6T 2qSFLn r1W6SQL hAYcE

```

```

                *           140          *           160
mouse       : NPDIVLCGNKSDLEDQRAVKEEEARELAEKYGIPYFETSAAN : 166
Human      : NPDIVLCGNKSDLEDQRVVKEEEAIALAEKYGIPYFETSAAN : 166
Rat       : NPDIVLCGNKSDLEDQRAVKEEEARELAEKYGIPYFETSAAN : 166
ZebraFish : NPDIVLVGNKADLADQREVQEKQAKELADKYG----- : 156
Worm      : QPDIIICGNKADLENRRQVSTARAKQLADQLGLPYFETSACT : 163
FruitFly  : DPDVVLCCGNKCDLLQIRVVSRDQVAALCRRYRLPYIETSACT : 162
          PD666cGNK DL R V a La yg py etsa

```

```

                *           180          *           200          *
mouse       : GTNISHAIEMLLDLIMKRMERCVDKSWIPEGVVRNNGHTSAD : 208
Human      : GTNISQAIEMLLDLIMKRMERCVDKSWIPEGVVRNNGHASTD : 208
Rat       : GTNISQAIEMLLDLIMKRMERCVDKSWIPEGVVRNNGHTSTD : 208
ZebraFish : ----- : -
Worm      : STNVEKSVDCLLDLVMQRIQQSVETSSSLPLSECRG---VSLD : 202
FruitFly  : GANVKEAVELLVGRVMERIENAAACNREFSLLLTQSRCLPNIA : 204
          n l m r

```

		220	*	240	*	
mouse	:	QLSEE	-----	KEKGLCG	-----	: 221
Human	:	QLSEE	-----	KEKGACG	-----	: 221
Rat	:	QLSEE	-----	KEKGLCG	-----	: 221
ZebraFish	:		-----		-----	: -
Worm	:	GDPSA	-----	ASSYCAN	-----	: 215
FruitFly	:	YGQPE	DLVRLHDRREEPCSR	RNCRN	-----	: 230
				C		